

1. Рослина цукрового буряку, в тому числі її нащадки, яка експресує фермент з 5-енолпірувілшкімат-3-фосфатсинтазною активністю, одержуваною з *Agrobacteria* sp. CP-4, яка **відрізняється** тим, що ПЛР-ампліфікація з використанням як матриці її геномної ДНК приводить до ампліфікації фрагменту ДНК, розміром 739 пар основ, при використанні пари нуклеотидних праймерів з послідовностями, представленими в SEQ ID NO: 18 і SEQ ID NO: 21.
2. Рослина за пунктом 1, яка **відрізняється** тим, що її ДНК, що характеризується нуклеотидною послідовністю SEQ ID NO: 27, утворює частину рослинного геному.
3. Рослина за пунктом 1, яка **відрізняється** тим, що ампліфікація в ПЛР з використанням її геномної ДНК як матриці приводить до ампліфікації фрагменту ДНК, довжиною в 834 пари нуклеотидів, за умов використання пари олігонуклеотидних праймерів, які охарактеризовані послідовностями SEQ ID NO: 20 та SEQ ID NO: 24.
4. Рослина за пунктом 1, яка **відрізняється** тим, що ампліфікація в ПЛР з використанням її геномної ДНК як матриці приводить до ампліфікації фрагменту ДНК, довжиною в 1057 пар нуклеотидів, за умов використання пари олігонуклеотидних праймерів, які охарактеризовані послідовностями SEQ ID NO: 17 та SEQ ID NO: 22.
5. Рослина за пунктом 1, яка **відрізняється** тим, що ампліфікація в ПЛР з використанням її геномної ДНК як матриці приводить до ампліфікації фрагменту ДНК, довжиною в 1224 пари нуклеотидів, за умов використання пари олігонуклеотидних праймерів, які охарактеризовані послідовностями SEQ ID NO: 19 та SEQ ID NO: 25.
6. Рослина за пунктом 1, яка **відрізняється** тим, що її ДНК, описана в нуклеотидній послідовності SEQ ID NO: 1, утворює частину рослинного геному.
7. Рослина за пунктом 6, яка **відрізняється** тим, що вказана нуклеотидна послідовність заміщує послідовності ДНК з високою повторюваністю.
8. Рослина за пунктом 6, яка **відрізняється** тим, що частини геному, безпосередньо зв'язані з вказаною нуклеотидною послідовністю, описані в нуклеотидних послідовностях SEQ ID NO: 2 та SEQ ID NO: 3.
9. Рослина за пунктом 7, яка **відрізняється** тим, що нуклеотидна послідовність її ДНК, описана в SEQ ID NO: 4, утворює частину рослинного геному.

10. Насіння рослини за будь-яким з пунктів 1-9.

11. Спосіб отримання трансгенної рослини цукрового буряку за пунктом 1, який полягає в тому, що здійснюють: трансформацію вирощених *in vitro* сім'ядолей цукрового буряка *Agrobacteria*, які містять вектор, який несе ділянку ДНК, яка кодує *cp4/epsps*, регенерацію паростків у присутності гліфосату, передачу паростків для укорінення у ґрунті в теплиці; обробку сходів гліфосатом, візуальну оцінку життєвої сили рослини та хлорозу листя за шкалою від 0 до 9, відбір рослин з життєвою силою та хлорозом листя тих рослин, котрі одержали 9 балів, розмноження відібраних рослин за допомогою звичайних методів розмноження.

12. Спосіб за пунктом 11, який **відрізняється** тим, що вектор, який кодує білок *cp4/epsps*, є вектором, який містить ділянку ДНК, яка має нуклеотидну послідовність, представлену в SEQ ID NO: 5.

13. Спосіб за пунктом 11, який **відрізняється** тим, що регенеровані паростки аналізують за допомогою ПЛР на присутність ДНК, яка кодує *cp4/epsps*.

14. Толерантна до гліфосату рослина цукрового буряку, в тому числі її нащадки, отримана *Agrobacterium*-опосередкованою трансформацією, разом з геном, що дозволяє експресувати *cp4/epsps* в рослинах, яка **відрізняється** тим, що у вказаній рослині відсутні як ліві, так і праві Т-ДНК граничні послідовності.