

У даному винаході викладені новітні способи і сполуки для швидкого і високоефективного створення послідовності нуклеїнової кислоти на основі гібридизації двома наборами невеликих проб олігонуклеотидів з відомими послідовностями. Надзвичайно великі молекули нуклеїнових кислот, включаючи хромосоми і нерозширені РНК, можна організовувати в послідовності без попереднього клонування і субклонування. Способи, відповідно до цього винаходу, можуть також дозволити вирішити різні існуючі проблеми, пов'язані з технологією створення послідовностей, такі, як, наприклад, низьке значення відношення сигнал-шум і складність вибіркості, прикріплення багатьох фрагментів нуклеїнової кислоти до поверхні, приготування багатьох більш довгих або більш складних проб і нанесення міток на більшу кількість речовин.